

Nuevas pruebas para longevidad funcional en CONAFE

DELFINO HERNÁNDEZ. DEPARTAMENTO TÉCNICO DE CONAFE

En la evaluación genética de Enero 2003, llevada a cabo en CONAFE, se han calculado por primera vez las pruebas nacionales para Longevidad Funcional. Se comentan a continuación algunos detalles de interés.

DATOS

Al calcular la longevidad de las vacas nos encontramos básicamente con dos tipos de datos:

- datos completos que son aquellos que pertenecen a vacas muertas o desechadas de las que disponemos información de su vida productiva completa.
- datos incompletos o censurados que son los que proceden de vacas que en el momento de la valoración genética no han sido todavía desechadas, y de las que no sabemos, cuanto tiempo se mantendrán en los rebaños.

En la valoración genética se han utilizado los datos de 515.559 vacas, de las cuales, el 52 % fueron datos completos y el 48% restante pertenecía a vacas que en el momento de la valoración aún estaban vivas.

La gran ventaja de la metodología utilizada en la valoración de longevidad funcional realizada en CONAFE es que es capaz de utilizar tanto la información de los datos completos como la de los incompletos.

PRUEBA DE LONGEVIDAD FUNCIONAL

Los resultados de la evaluación genética se obtienen expresados como riesgo relativo de desecho, pero para su publicación se transforman a una escala estandarizada que va de 0 a 8 y tiene por media 4. En esta escala, a mayor valor, mayor longevidad de las hijas.

A diferencia de las valoraciones para producción, aquí la media no es la de los animales nacidos en un año determinado, sino la media del valor genético de los toros que entran en el catálogo (1.006 toros).

Un toro medio tendrá un valor genético de 4. De este modo, los animales con un valor genético superior a 4 son aquellos toros cuyas hijas tienen esperanza de vida superior a la media.

Los toros peor valorados para longevidad (por debajo de la media) son aquellos con un valor genético inferior a 4.

En principio, según esta escala, el mayor mérito genético para

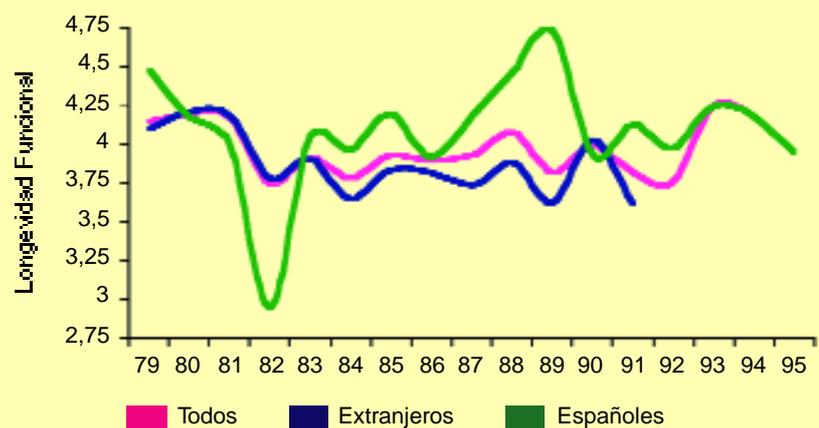


longevidad funcional es el 8, aunque en la práctica el toro de mayor valor genético de la valoración de Enero 2003 tiene 6,7.

Por ejemplo, un toro con valor genético 6 tendrá hijas más longevas que las hijas un toro medio (con valor genético 4). En el otro extremo estará un toro con valor genético 1, el cual dará hijas que de media son menos longevas que el toro medio.

Cuando analizamos la evolución de los valores genéticos medios de los toros con fiabilidad superior al 50 % según el año de nacimiento (véase figura 1), no podemos apreciar ninguna tendencia clara para el carácter longevidad funcional.

Figura 1. Longevidad Funcional de los toros de la valoración de enero 2003



FIABILIDAD

La fiabilidad de los valores genéticos se calcula solamente a partir de las hijas con datos completos y teniendo en cuenta la heredabilidad. Al no tomar en cuenta las hijas con datos incompletos, la fiabilidad de los toros que no tienen hijas con datos completos será de 0, independientemente del número de hijas que tenga con dato incompleto.

A igualdad de hijas, la fiabilidad de un valor genético de longevidad funcional es más baja que de producción, debido a la baja heredabilidad de los datos de longevidad (9,5 %).

En el catálogo sólo se publican los machos con una fiabilidad de al menos el 50% (véase la tabla 1), que tengan hijas distribui-

Tabla 1.- Valores de fiabilidad de Longevidad Funcional

Fiabilidad (%)	Mínimo número de Hijas con dato completo	Número de toros con prueba oficial de Longevidad Funcional en CONAFE
50	41	1006
80	160	354
90	359	149
95	719	69

das en al menos 10 rebaños.

TOROS JÓVENES

Como se ha comentado antes, para alcanzar una fiabilidad mínima del 50%, un toro tiene que tener al menos 41 hijas ya desechadas de las que se dispone de datos de toda su vida productiva. Esto implica evidentemente que los toros más jóvenes tienen fiabilidad muy baja y no suelen aparecer en el catálogo.

Por ello, un tema pendiente para la próxima evaluación es mejorar la estima de la prueba de longevidad de los toros más jóvenes. Para ello se va a estudiar como predecirla a partir de las pruebas de los caracteres de tipo. Para cada toro se dispondrá entonces de una prueba "directa" basada en la longevidad de sus hijas y otra "indirecta" predicha a partir de las pruebas disponibles para otros caracteres.

La combinación de ambas pruebas, pesando cada una de ellas según la cantidad de información con que se haya obtenido, será la prueba combinada de longevidad. Procedimientos similares se llevan a cabo en la mayoría de los países para estimar las pruebas de longevidad funcional de los toros jóvenes. En CONAFE se va a poner a punto para la próxima evaluación genética de Julio 2003.



Vendo Novillas

Diez novillas con inmejorables pedigrís, hijas de madres Excelentes y MB, de toros canadienses y americanos
Tlf.: 629 331 211

VENDO CUOTA

300.000 KILOS
Tlf.: 630 269 115
Preguntar por Antonio o por Gaspar

Publicaciones de CONAFE

REVISTA FRISONA ESPAÑOLA

Cada dos meses las últimas novedades del sector. Reportajes, entrevistas, artículos...

CATÁLOGOS DE SEMENTALES Y MIL MEJORES VACAS

Con los resultados de las evaluaciones genéticas de Enero y Julio (machos) y las pruebas de Julio (hembras)

MANUAL DE GENÉTICA

Conocimientos básicos para la mejor interpretación y comprensión de las pruebas genéticas

MANUAL DE JUZGAMIENTO

Cómo preparar nuestros animales para participar en concursos y cómo mostrarlos en pista

MANUAL DE CALIFICACIÓN

Qué y cómo se valora en la calificación morfológica

TABLAS DE ALIMENTACIÓN

Componentes y cantidades en las raciones de las vacas lecheras

LÁMINA DE LA VACA FRISONA IDEAL

Todas las regiones y todos los términos utilizados al hablar del ganado frisón

Pide información en:

Confederación de Asociaciones de Frisona Española - CONAFE
Ctra. de Andalucía, km. 23,600 - 28340
Valdemoro (Madrid)
Tlf: 91 895 24 12 - Fax: 91 895 14 71
web: www.conafe.com

Dpto. de Publicaciones y Promoción

web: www.revistafrisona.com
e-mail: suscripciones@revistafrisona.com
publicidad@revistafrisona.com